

CONVENCIÓN SOBRE EL COMERCIO INTERNACIONAL DE ESPECIES
AMENAZADAS DE FAUNA Y FLORA SILVESTRES



Decimocuarta reunión de la Conferencia de las Partes
La Haya (Países Bajos), 3-15 de junio de 2007

Información adicional sobre medios auxiliares para identificar
especímenes de tiburón o carne de tiburón

El documento informativo adjunto ha sido presentado por Alemania.

Tiburón sardinero (*Lamna nasus*) y tiburón espinoso (*Squalus acanthias*)

Información adicional sobre medios auxiliares para identificar especímenes de tiburón o carne de tiburón

Adicionalmente a la información presentada en el documento CoP14 Prop. 15 y CoP14 Prop. 16, existe la siguiente información sobre la identificación de partes y particularmente de la carne de las dos especies de tiburón mencionadas arriba.

1- Identificación morfológica de aletas

Pascal P. DEYNAT del Museo nacional de historia natural en París está preparando, en cooperación con WWF, una guía de identificación de aletas de tiburón. Su finalización está prevista para 2007 (según observación personal hecha ante la Autoridad Científica alemana, marzo de 2007).

2- Ensayos de ADN

Para el tiburón sardinero, SHIVJI et al. 2002 han desarrollado un ensayo basado en cebadores de PCR muy sencillo, rápido y sumamente preciso (véase propuesta de enmienda)¹.

Para el tiburón espinoso, ya está disponible un ensayo de secuencia genética COI que ha sido desarrollado por Robert Ward, CSIRO Marine and Atmospheric Research, Hobart, Tasmania/Australia (disponible en Internet)². Sería fácil desarrollar, probablemente en un plazo de seis meses, un ensayo adicional basado en cebadores (comparable con el del tiburón sardinero) en función de la disponibilidad de muestras de las especies de tiburón necesarias.

Los dos ensayos pueden llevarse a cabo en cualquier laboratorio que se use para realizar las técnicas de ADN habituales.

3- Tiempo de respuesta de los ensayos de ADN

Los ensayos genéticos basados en cebadores son más rápidos y menos costosos que los ensayos de secuencia genética COI. Un solo ensayo puede llevarse a cabo en solamente 3-4 horas, mientras que un ensayo de secuencia genética COI puede tardar unas 8-12 horas en concluir. Naturalmente, el tiempo de respuesta total depende del número y de la calidad de muestras a examinar.

La gran ventaja del ensayo basado en cebadores se hace patente cuando se trata de examinar un gran número de muestras al mismo tiempo. Una vez desarrollados los cebadores específicos (como ya se ha hecho en el caso del tiburón sardinero), es posible realizar ensayos en hasta un total de 1000 muestras (o incluso más) por día, lo cual no es factible cuando se emplea el ensayo de secuencia genética.

Agradecimientos

La Autoridad Científica alemana quisiera agradecer a las personas siguientes el haber proporcionado información acerca de la identificación de tiburones así como de partes y derivados de tiburón: D. CHAPMAN, Nova Southeastern University, Dania Beach, Florida/EEUU; P. DEYNAT, Muséum National d'Histoire Naturelle, París/Francia; L. NOBLE, Aberdeen University, Aberdeen/Reino Unido; H. REHBEIN, Institut für Seefischerei (Instituto de Pesca Marina), Hamburgo/Alemania; A. SEITZ, Universidad de Maguncia/Alemania; M. SHIVJI, Nova Southeastern University, Dania Beach, Florida/EEUU; R.D. WARD, CSIRO Marine and Atmospheric Research, Hobart, Tasmania/Australia; R. WULFF, NOAA Fisheries, Silverspring, Maryland/EEUU.

¹ SHIVJI, M., CLARKE, S., PANK, M., NATANSON, L. KOHLER, N & STANHOPE, M (2002): Rapid molecular genetic identification of pelagic shark body parts for conservation and trade monitoring. – *Conserv. Biol.*, 16(4): 1036-1047.

² www.barcodinglife.org